

QY	1510	CTTTAAAGCCTGAGTATGACTCCATGTGATATGTTACACAGCTTCTTATCCATC	1569	XX	
Db	4364	ATTTTATGGCTGACAGTACATGATGATGATGCTGACATTCATTCAGTC	4305	PP	
QY	1570	ATCTGATATGATATGATATGATATGATATGATATGATATGACATTCATTCAGTC	1629	XX	
Db	4304	TATCAATTGGACATTGGTGGACAGTCTTATAGGATGATTATATCCCTTGTT	4245	PR	
QY	1630	GAACATGGGTGACGGTCTTCCCTTGTT	1683	PR	
Db	4244	AAACATACGGTGTGATGCTCTTATAGGATGATTATATCCCTTGTTATACC	4185	PR	
QY	1684	CACCGAGGGTACGGTCTTCCCTTGTT	1743	XX	
Db	4184	CAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4125	PA	
QY	1744	CACTCTCTCATGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATG	1803	PA	
Db	4124	CACGACTTCACAACTGGTGAACATGTTACAGTCCACACAGCTAAAGTGTCC	4065	PA	
QY	1804	CTTTCCTGACAGCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	1863	XX	
Db	4064	TATTTCTGAAATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTTAA	4065	DR	
QY	1864	GACTGGTGGAAATGGTACATAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATG	1922	XX	
Db	4004	ACTGGTGGAGATGGTATCTCATGTTGTTGACCATCTGATGATGATGATGATG	3945	PSDB	
QY	1923	TGTGAGCTCTTCAGTGTGTTGACCATCTGATGATGATGATGATGATGATG	1982	AM23606.	
Db	3944	TGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3885	PT	
QY	1983	ATTTGGTCTTGGCTTGTGTTGATGGTGTGTTGATGGTGTGCTG 2042	PT	Isolated polypeptide for treatment of diseases, diagnostics, raising	
Db	3884	GTTCATATGCTTGCCTGATGTTGATGTTGATGTTGATGTTGATGTT	3825	PT	antibodies and research use
QY	2043	GAGTGCTGATATTTGAGTGTGATGTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	2102	PS	
Db	3824	GAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	3765	Claim 1: Page 256-257; 1275pp; English.	
QY	2103	CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT	2162	XX	
Db	3764	CTCCATTGCTAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	3705	XX	
QY	2163	TTTAACTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT	2222	XX	
Db	3704	TTTAACTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT	3645	XX	
QY	2223	T 2223	Sequence 5186 BP; 2122 A; 1092 C; 956 G; 1016 T; 0 other;	XX	
Db	3644	T 3644	Query Match 15.0%; Score 429.4; DB 22; Length 5186;	XX	
QY	2224	AAH9265 standard; cDNA: 5186 BP.	Best Local Similarity 71.1%; Pred. No. 6.5e-91; Matches 598; Conservativity 0; Mismatches 236; Indels 7; Gaps 2;	XX	
Db	4953	TGTCATATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4894	XX	
QY	1450	TTCATCTTATATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1509	XX	
Db	4893	TTTACTGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4834	XX	
QY	1510	CTTCTTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG	1569	XX	
Db	4833	ATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4774	XX	
QY	1570	ATCTGATATGATATGATATGATATGATATGATATGATATGATATGATATGAT	1629	XX	
Db	4773	TATCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4714	XX	
QY	1630	GAACATGGGTGACGGTCTTCCCTTGTT	1683	XX	
Db	4713	AAACATACGGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4654	XX	
QY	1684	CAGCAGGGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	1743	XX	
Db	4653	CACTATGG	4594	XX	
QY	1744	CACTCTCTCATGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATG	1803	XX	
Db	4593	CACTGATGCTGACAGTGTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATGCTGATG	4534	XX	
QY	1804	CTTTCCTGACACCTCTCCAGCTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT	1863	XX	
Db	4533	TATCTTCTGACATCCCTCCAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4474	XX	
QY	1864	GACTGGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	1922	XX	
Db	4473	AACTGGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	4414	XX	
QY	1923	GGTAACTGCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	1982	XX	

